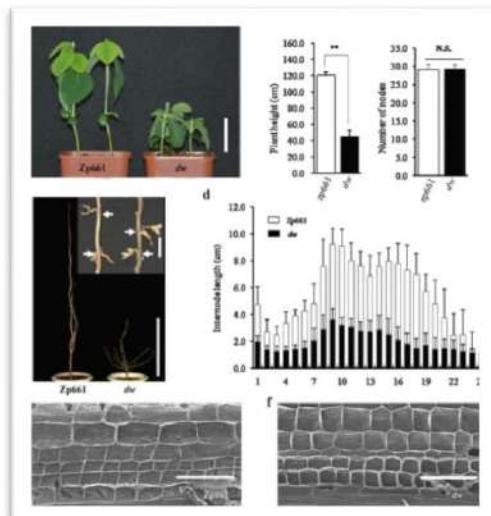


شناسایی ژن پاکوتاهی GmDW1 در سویا با استفاده از نقشه یابی ژنتیکی-توالی یابی و آنالیز لینکاز

Identification of the DWar gene GmDW1 in soybean (*Glycine max L.*) by combining mapping-by-sequencing and linkage analysis

برگ گیاه یکی از اجزای مهم ساختار گیاه می‌باشد و به طور معنی‌داری در شیوه‌های اصلاح و عملکرد محصول تاثیر می‌گذارد. در این مقاله مشخصات یک موتانت پاکوتاه حاصل از EMS از سویا رقم ژانگین ۶۶۱ گزارش خواهد شد. در موتانت DW کاهش ارتفاع گیاه و کوتاه شدن فاصله میانگره رخ داده است که عامل هر دو پدیده اساساً کاهش طول سلول بوده است. فعالیت زیستی GA_1 و GA_4 در ساقه موتانت DW قابل تشخیص نبود و فنوتیپ پاکوتاهی می‌تواند بوسیله تیمار با GA_3 خارجی حاصل شده باشد. تجزیه و تحلیل ژنتیکی نشان داد که صفت پاکوتاهی DW توسط یک ژن هسته‌ای انقباضی کنترل شده است. با استفاده از آنالیز لینکاز و نقشه یابی-توالی یابی نقشه ژن GmDW1 روی کروموزوم ۸ با اندازه تقریباً ۴۶۰ kb محتوی ۳۶ ژن رونویسی شده در ژنوم مرجع رقم ویلیامز ۸۲ شناسایی شد. از این ژن‌ها دو پلی-مورفیسم تک نوکلئوتیدی نامشخص (SNPs) شناسایی شده که به طور نسبی در مناطق کدگذاری ژن‌های GmDW1 و Glyma.08G165100 در موتانت DW حضور دارند. با این حال



شکل ۱. مشخصات فنوتیپی موتانت DW سویا

منبع:

Li, ZH., Y. Guo, L. Ou, H. Hong, J. Wang, ZH. Liu, B. Guo, L. Zhang and L. Qiu. (2018). Identification of the DWar gene GmDW1 in soybean (*Glycine max L.*) by combining mapping-by-sequencing and linkage analysis. Theoretical and Applied Genetics, 131(5), 1001-1016.

ارتفاع گیاه یکی از اجزای مهم ساختار گیاه می‌باشد و به طور معنی‌داری در شیوه‌های اصلاح و عملکرد محصول تاثیر می‌گذارد. در این مقاله مشخصات یک موتانت پاکوتاه حاصل از EMS از سویا رقم ژانگین ۶۶۱ گزارش خواهد شد. در موتانت DW کاهش ارتفاع گیاه و کوتاه شدن فاصله میانگره رخ داده است که عامل هر دو پدیده اساساً کاهش طول سلول بوده است. فعالیت زیستی GA_1 و GA_4 در ساقه موتانت DW قابل تشخیص نبود و فنوتیپ پاکوتاهی می‌تواند بوسیله تیمار با GA_3 خارجی حاصل شده باشد. تجزیه و تحلیل ژنتیکی نشان داد که صفت پاکوتاهی DW توسط یک ژن هسته‌ای انقباضی کنترل شده است. با استفاده از آنالیز لینکاز و نقشه یابی-توالی یابی نقشه ژن GmDW1 روی کروموزوم ۸ با اندازه تقریباً ۴۶۰ kb محتوی ۳۶ ژن رونویسی شده در ژنوم مرجع رقم ویلیامز ۸۲ شناسایی شد. از این ژن‌ها دو پلی-مورفیسم تک نوکلئوتیدی نامشخص (SNPs) شناسایی شده که به طور نسبی در مناطق کدگذاری ژن‌های GmDW1 و Glyma.08G165100 در موتانت DW حضور دارند. با این حال تنها جهش $(T>A)$ SNP در نوکلئوتید ۱۲۲۴ در GmDW1 با فنوتیپ پاکوتاهی مرتبط بود. GmDW1 یک انت - کورن سینتاز را کد می‌کند و در بافت‌های متنوع شامل ریشه، ساقه و